



Insetos predadores associados a híbridos de milho convencional e transgênicos resistentes a insetos

Jean Carlo de Quadros¹; Fabíola de Oliveira¹; Marcos Gino Fernandes¹

1 Programa de Pós-Graduação em Entomologia e Conservação da Biodiversidade. Faculdade de Ciências Biológica e Ambientais. Universidade Federal da Grande Dourados (UFGD), 79804-070 Dourados, MS, Brasil

Espera-se que a maioria das espécies de predadores, por serem de vida livre e com grande mobilidade tanto na fase larval quanto na adulta, sejam pouco afetados pela redução da abundância de presas, devido, principalmente, a sua grande gama de hospedeiros. O objetivo do trabalho foi analisar a comunidade de insetos predadores e compará-las faunisticamente nas três culturas analisadas. Foram amostradas uma área de milho convencional, uma com o híbrido VT PRO[®] (Bt) e outra com Yieldgard[®] (Bt). Os insetos foram coletados através de armadilhas de queda do tipo “pitfall”, dispostas sistematicamente nos três híbridos. Em cada híbrido de milho foram instaladas 15 armadilhas, as quais foram monitoradas semanalmente. O material coletado foi acondicionado em potes plásticos contendo álcool 85%, e armazenado no Laboratório de Entomologia-UFGD. A identificação dos insetos foi realizada por meio de literatura especializada e comparação com exemplares do Museu de Entomologia da UFGD. Os resultados apontam uma variação pequena na ocorrência dos espécimes de predadores, sendo 339 no Yieldgard[®], 316 no VT PRO[®] e 371 no convencional. Ocorreram as seguintes espécies: *Galerita* sp., *Lebia* sp., *Tetracha* sp., *Cycloneda sanguinea* (Coleoptera); *Doru lineare*, *Doru luteipes* (Dermaptera); *Allograpta obliqua* (Diptera); *Nabis* sp., *Reduviidae* sp.1 (Hemiptera); *Chrysoperla externa* (Neuroptera). Conclui-se que os grupos de maior ocorrência nos três híbridos analisados possuem um elevado potencial predatório e a semelhança na diversidade e quantidade das populações amostradas indica que não há efeito negativo na comunidade de predadores naturais quando comparado os híbridos transgênicos com o convencional.

Palavras chaves: OGM, Milho Bt, análise faunística.